

SEQUENCE LISTING

SEQ ID NO:1

AACTATGCTGATGACAAGATAATTCTAATAAGCAATTATTAGAATTAATCAA
 GGAGAAAGAATTAATAACTCTTCAGAATATGAAGCCGCTTACAAGTGGC
 CAGCTAGCTATCACTGAAAAGACAGCAAGACAATGGTGTCTCGATGCACCAAG
 AACACACATCTTGAGCAGATGTGAAGCAGCCAGAGTGGTCCACAAGACGCA
 CTCAGAAAAGGCATCTCTACCGACACAGAAAAAGACAACCACAGCTCATCA
 TCCAACATGTAGACTGTCGTTATGCGTCGGCTGAAGATAAGACTGACCCAG
 GCCAGCACTAAAGAAGAAATAATGCAAGTGGCTTAGCTCCACTTAGCTTT
 AATAATTATGTTCATTATTATTCTCTGCTTTGCTCTATATAAAGAGCTTG
 TATTTCAATTGAAGGCAGAGGCGAACACACACAGAACCTCCCTGCTTACA
 AAC

SEQ ID NO:2

GGATCCCCCAGCTTAACTATGCTGATGACAAGATAATTCTAATAAGCAATTAT
 TCAGAATTAATCAAGGAGAAAGAATTAATAACTCTTCAGAATATGAAGCCC
 GCTTACAAGTGGCCAGCTAGCTACTGAAAAGACAGCAAGACAATGGTG
 TCTCGATGCACCAGAACCATCTTGAGCAGATGTGAAGCAGCCAGAGTG
 GTCCACAAGACGCACTCAGAAAAGGCATCTCTACCGACACAGAAAAAGACA
 ACCACAGCTCATCCAACATGTAGACTGTCGTTATGCGTCGGCTGAAGATA
 AGACTGACCCAGGCCAGCACTAAAGAAGAAATAATGCAAGTGGCTTAGCT
 CCACTTAGCTTAATAATTATGTTCATTATTATTCTCTGCTTTGCTCTAT
 ATAAAGAGCTGTATTTCAATTGAAGGCAGAGGCGAACACACACAGAAC
 CTCCCTGCTTACAAACCGGATGGCTGCAGGTCTAACCATGG

SEQ ID NO:3

GGATCCGCTTACAAGTGGCCACCTAGCTACTGAAAAGACAGCAAGACA
 ATGGTGTCTCGATGCACCAGAACCATCTTGAGCAGATGTGAAGCAGCC
 AGAGTGGTCCACAAGACGCACTCAGAAAAGGCATCTCTACCGACACAGAAA
 AAGACAACCACAGCTCATCCAACATGTAGACTGTCGTTATGCGTCGGCTG
 AAGATAAGACTGACCCAGGCCAGCACTAAAGAAGAAATAATGCAAGTGGT
 CCTAGCTCCACTTAGCGCTAGCTACTGAAAAGACAGCAAGACAATGGT
 GTCTCGATGCACCAGAACCATCTTGAGCAGATGTGAAGCAGCCAGAGT
 GGTCCACAAGACGCACTCAGAAAAGGCATCTCTACCGACACAGAAAAAGAC

Atty. Docket No: 0173.210US

AACCACAGCTCATCATCCAACATGTAGACTGTCGTTATGCGTCGGCTGAAGAT
AAGACTGACCCAGGCCAGCACTAAAGAAGAAATAATGCAAGTGGTCCTAGC
TCCACTTTAGCTTAATAATTATGTTCATTATTATTCTCTGCTTGTCTCTA
TATAAAGAGCTGTATTCATTGAAGGCAGAGGCGAACACACACACAGAA
CCTCCCTGCTTACAAACCGGATC

SEQ ID NO:4

GATCCGCTTACAAGTGGCCACCTAGCTATCACTGAAAAGACAGCAAGACAA
TGGTGTCTCGATGCACCAGAACCATCTTGCAGCAGATGTGAAGCAGCCA
GAGTGGTCCACAAGACGCACTCAGAAAAGGCATCTTCTACCGACACAGAAAA
AGACAACCACAGCTCATCCAACATGTAGACTGTCGTTATGCGTCGGCTGA
AGATAAGACTGACCCAGGCCAGCACTAAAGAAGAAATAATGCAAGTGGTCC
TAGCTCCACTTAGCTTAATAATTATGTTCATTATTATTCTCTGCTTGTCTC
TCGCTAGCTATCACTGAAAAGACAGCAAGACAATGGTGTCTCGATGCACCAG
AACCACATCTTGCAGCAGATGTGAAGCAGCCAGAGTGGTCCACAAGACGCA
CTCAGAAAAGGCATCTTCTACCGACACAGAAAAAGACAACCACAGCTCATCA
TCCAACATGTAGACTGTCGTTATGCGTCGGCTGAAGATAAGACTGACCCAG
GCCAGCACTAAAGAAGAAATAATGCAAGTGGTCCTAGCTCCACTTAGCTTT
AATAATTATGTTCATTATTATTCTCTGCTTGTCTCTATATAAAGAGCTTG
TATTTCATTGAAGGCAGAGGCGAACACACACACAGAACCTCCCTGCTTACA
AACCGGATCGGGCTGCAG